



利用蛋白质组学和孟德尔随机化确定高血压的潜在治疗药物靶点

在线阅读 View online: [http://zhgxyzz.xml-](http://zhgxyzz.xml-journal.net/shaid/f1aaa0a8e05a2b3db75a388024585091d01be73a6bd3d29658f266ae352f2588)

[journal.net/shaid/f1aaa0a8e05a2b3db75a388024585091d01be73a6bd3d29658f266ae352f2588](http://zhgxyzz.xml-journal.net/shaid/f1aaa0a8e05a2b3db75a388024585091d01be73a6bd3d29658f266ae352f2588)

您可能感兴趣的其他文章

Articles you may be interested in

收缩压与脑皮质结构异常改变相关:孟德尔随机化研究证据

中华高血压杂志. 2024, 32(5): 446–446 [https://doi.org/\\${suggestArticle.doi}](https://doi.org/${suggestArticle.doi})

25羟基维生素D₃与高血压的因果关系及高敏C反应蛋白的中介作用：中介孟德尔随机化研究

中华高血压杂志. 2025, 33(7): 653–660 <https://doi.org/10.16439/j.issn.1673-7245.2024-0175>

抑郁、焦虑、压力症状与血压升高的关联性:队列研究及两样本孟德尔随机化分析

中华高血压杂志. 2024, 32(1): 50–50 [https://doi.org/\\${suggestArticle.doi}](https://doi.org/${suggestArticle.doi})

甲状腺疾病与子痫前期风险的因果关联:一项两样本双向孟德尔随机化研究

中华高血压杂志. 2025, 33(4): 335–342 <https://doi.org/10.16439/j.issn.1673-7245.2025.04.007>

后代血压的母体和胎儿起源：使用遗传相关性和基于遗传风险评分的孟德尔随机化统计分析

中华高血压杂志. 2023, 31(11): 1123–1123 [https://doi.org/\\${suggestArticle.doi}](https://doi.org/${suggestArticle.doi})

高血压患者药物基因组学导向药物治疗与常规药物治疗效果的比较

中华高血压杂志. 2023, 31(9): 883–887 <https://doi.org/10.16439/j.issn.1673-7245.2023.09.014>



关注微信公众号，获得更多资讯信息

• 中美互换摘要 •

利用蛋白质组学和孟德尔随机化确定高血压的潜在治疗药物靶点

Pan W, Huang D, Lin C, Huang H, Chen Q, Wang L, Li M, Yu H. Potential therapeutic drug targets for hypertension identified using proteomics and mendelian randomization. *Am J Hypertens*, 2025, 38(10): 841-851.

高血压是世界范围内心血管疾病最常见的危险因素。尽管是一种高度可遗传的性状,但由于其复杂的遗传结构,潜在机制仍不清楚。有研究发现具有因果遗传证据的疾病相关蛋白可为确定高血压的治疗靶点提供潜在的策略。方法:该研究分析社区动脉粥样硬化风险研究中7213名欧洲裔美国参与者的血浆蛋白质组,包括457种血浆蛋白。高血压的全基因组关联研究数据来自芬兰基因计划,其中包括102864例病例和289117例对照。采用顺式孟德尔随机化(cis-Mendelian randomization, Cis-MR)评估循环蛋白对高血压风险的因果效应。通过多元敏感性分析以评估这些因果关系的稳定性。通过共定位分析以确定这些特征是否具有相同的相关单核苷酸多态性。然后使用冰岛人群基因

数据库中的顺式蛋白数量性状位点(cis-protein quantitative trait loci, Cis-pQTL)遗传工具验证高血压相关蛋白的因果效应。结果:1788种蛋白中有18种血浆蛋白的基因预测水平与高血压相关,其中7种蛋白强烈支持共定位,验证后,只有内质网氨基肽酶1(endoplasmic reticulum aminopeptidase 1, ERAP1)和活化素受体样激酶1(activin receptor-like type 1, ACVRL1)被证实为高血压的治疗候选靶点,与高血压风险呈负相关。结论:通过将Cis-MR分析与共定位分析相结合,该研究确定ERAP1和ACVRL1可作为高血压一级预防的潜在靶点,其中ERAP1在进一步验证后可能成为一个特别有希望的药物靶点。